



Ankündigung zur Kommentierung der Basismodule Person, Medikation und Laborbefund der Medizininformatik-Initiative

Sowohl für die medizinische Forschung als auch für die Patientenbehandlung ist es wichtig, dass medizinische Daten sicher und verlustfrei ausgetauscht werden können. Deshalb hat die Medizininformatik-Initiative (MII), gefördert von Bundesministerium für Bildung und Forschung, ein standardisiertes elektronisches Austauschformat für diese Daten entwickelt. In einer öffentlichen Kommentierungsphase sind nun interessierte Personen, Organisationen und Unternehmen eingeladen mit ihrem Feedback mitzuhelfen, dass dieses Format möglichst breit eingesetzt werden kann.

Auf diese Weise schafft die MII Voraussetzungen dafür, dass Forschung und Versorgung näher zusammenrücken. Derzeit arbeiten alle Universitätsklinika Deutschlands gemeinsam mit Forschungseinrichtungen, Unternehmen, Krankenkassen und Patientenvertretern daran, die Rahmenbedingungen zu entwickeln, damit Erkenntnisse aus der Forschung direkt den PatientInnen erreichen können. Um dies zu erreichen, müssen Forschungs- und Versorgungsdaten standortübergreifend verknüpft werden können.

Für die gemeinsame, einrichtungsübergreifende Nutzung der Daten wird im Rahmen der MII ein Kerndatensatz definiert, der in inhaltlich gruppierte Module untergliedert ist und von allen MII-Standorten umgesetzt wird. Der Kerndatensatz wurde 2019 in enger Kooperation mit HL7 Deutschland e.V. im HL7-Standard FHIR spezifiziert. Drei dieser Module stehen ab dem 10. Februar 2020 in Form von FHIR-Profilen zur Kommentierung nach dem Abstimmverfahren von HL7 bereit:

- ▶ Das **Modul PERSON** dient im Rahmen der MII sowohl der Beschreibung von PatientInnen als auch von ProbandInnen.
- ▶ Das **Modul MEDIKATION** enthält Datenelemente zur Dokumentation von Arzneimittelverordnungen und -gaben.
- ▶ Das **Modul LABOR** bildet Laborbefunde ab, die typischerweise in einem Zentrallabor eines Klinikums erhoben werden.

Wir laden interessierte Personen, Organisationen und Unternehmen ein, im Rahmen der hier angekündigten öffentlichen Kommentierungsphase konstruktives Feedback zu den Modulen Person, Medikation und Labor zu geben. Hinweise zu Inhalten und Aufbau der Module sind ebenso willkommen wie Rückmeldungen zur Semantik und zur technischen Umsetzung im HL7-Standard FHIR.

Die sechswöchige Kommentierungsphase startet am 10. Februar 2020 und endet am 23. März 2020.

Ab dem 10. Februar 2020 werden die FHIR-Profile als stabile Ballot-Version (Version 0.9) einschließlich der Implementierungsleitlinien unter nachfolgenden URLs veröffentlicht:

- ▶ **Beschreibung MII-Kerndatensatz:**
www.tmf-ev.de/MII/FHIR/Manteldokument/MII-Kerndatensatz.html
- ▶ **Implementierungsleitfaden MII-Kerndatensatzmodul „Person“:**
www.tmf-ev.de/MII/FHIR/ModulPerson/IGMIIKDSModulPerson.html
- ▶ **Implementierungsleitfaden MII-Kerndatensatzmodul „Laborbefund“:**
www.tmf-ev.de/MII/FHIR/ModulLabor/IGMIIKDSModulLabor.html
- ▶ **Implementierungsleitfaden MII-Kerndatensatzmodul „Medikation“:**
www.tmf-ev.de/MII/FHIR/ModulMedikation/IGMIIKDSModulMedikation.html

Die Besprechung und Auflösung der Kommentare erfolgt bis zum 30. April 2020.

Kommentare können (nach kostenloser Anmeldung) in Simplifier als Issue erstellt oder formlos per Email an office@medizininformatik-initiative.de gesendet werden.

Die Module Fall, Diagnose und Prozedur folgen in Kürze.

Bei Fragen stehen wir Ihnen unter office@medizininformatik-initiative.de gerne zur Verfügung. Während der Kommentierungsphase bieten wir per Web-Konferenz Einführungs-Touren zu den FHIR-Profilen der MII-Module Person, Medikation und Labor an, in denen wir Sie durch die Struktur und Inhalte der Profile führen. Wir laden Sie herzlich ein, an diesen Touren teilzunehmen – Daten und Einwahlinformationen geben wir rechtzeitig vorab bekannt.

Überblick über den Zeitplan

Ankündigung der Kommentierung	27. Januar 2020
Eröffnung der Kommentierungsphase	10. Februar 2020
Schließen der Kommentierungsphase	23. März 2020
Besprechung und Auflösung der Kommentare	bis zum 30. April 2020
